

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome Annalisa Bergna
Indirizzo Via Gorizia 22, Paderno Dugnano, Milano
Telefono **3348981549**
Fax
E-mail **annalisa.bergna@unimi.it**
Nazionalità italiana
Data di nascita 19/10/1990

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a) 01/11/2023-oggi
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Università degli Studi di Milano, via GB Grassi 74, 20157, Milano
- Tipo di azienda o settore Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche (DIBIC)
- Tipo di impiego Assegnista di Ricerca
- Principali mansioni e responsabilità
 - Sviluppo e test di protocolli di amplificazione mediante PCR e di *Next Generation Sequencing* su piattaforme diverse (Illumina Miseq, S5 Ion Torrent, ecc) per la caratterizzazione di genomi microbici
 - Epidemiologia e genomica molecolare applicata alla sorveglianza e allo studio della patogenesi degli agenti delle principali malattie infettive
 - Manipolazione di agenti infettivi e colture cellulari in laboratorio BSL3 per isolamenti virali e saggi di efficacia farmacologica *in vitro* in cellule suscettibili a SARS-CoV-2.
 - Caratterizzazione del *reservoir* di HIV (*Cell-associated RNA and Cell-associated DNA*) mediante *Digital Droplet PCR* (ddPCR) e *Digital PCR*
- Date (da – a) 01/11/2020-31/10/2023
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Università degli Studi di Milano, via GB Grassi 74, 20157, Milano
- Tipo di azienda o settore Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche (DIBIC)
- Tipo di impiego Dottorato di Ricerca in Sanità Pubblica
- Principali mansioni e responsabilità
 - Metodi avanzati di evoluzione molecolare e filogenetici (filodinamica e filogeografia) per la ricostruzione dell'origine, dell'epidemiologia e della dispersione geografica di virus e patogeni emergenti di alto impatto sociale (Epidemiologia genomica e filogenesi dei virus SARS-CoV-2 e HRSV in Italia ed Europa)
 - Determinazione di titoli anticorpali neutralizzanti nei sieri di pazienti convalescenti o attivamente immunizzati rispetto a nuove varianti o al test dell'efficacia degli agenti antivirali e degli anticorpi monoclonali
 - Allestimento di colture di linee cellulari in BLS3 (U1, OM-10, VeroE6 e CACO2) per isolamenti virali e saggi di efficacia farmacologica *in vitro*
- Date (da – a) 02/07/2019-03/07/2020
- Nome e indirizzo del datore di lavoro ASST-FBF-SACCO, via GB Grassi 74, 20157, Milano
- Tipo di azienda o settore LABORATORIO DI MALATTIE INFETTIVE, UOC MALATTIE INFETTIVE III
- Tipo di impiego Borsista Biologo
- Principali mansioni e responsabilità
 - Gestione di protocolli clinici: raccolta campioni, processamento, stoccaggio e spedizione

- Analisi filogenetiche dei virus HIV, HCV e batteri tra cui *Staphylococcus aureus*, *Acinetobacter Baumannii*, *Pseudomonas aeruginosa*
- Caratterizzazione del *reservoir* di HIV (*Cell-associated RNA and Cell-associated DNA*) mediante *Digital Droplet PCR* (ddPCR)
- Allestimento di colture di linee cellulari in BLS3 (U1, OM-10, VeroE6 e CACO2)
- Isolamento di SARS-CoV-2 e relativo sequenziamento per ottenimento del genoma completo
- Saggi immunoenzimatici per l'identificazione di anticorpi IgM e IgG in campioni biologici di pazienti suscettibili all'infezione
- Saggi di efficacia farmacologica in vitro, in cellule suscettibili a Sars-CoV-2
- Membro della Fondazione VIRONET C, *HCV Virology Italian Resistance Network Group*, per la standardizzazione e l'esecuzione del test di resistenza ai farmaci antivirali di HCV

• Date (da – a)

14/04/2018-11/04/2019

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

ASST-FBF-SACCO, via GB Grassi 74, 20157, Milano

• Tipo di azienda o settore

LABORATORIO DI MALATTIE INFETTIVE, UOC MALATTIE INFETTIVE III

• Tipo di impiego

Borsista Biologo

• Principali mansioni e responsabilità

- Gestione di protocolli clinici: raccolta campioni, processamento, stoccaggio e spedizione
- Caratterizzazione molecolare di ceppi di *Staphylococcus aureus -Panton Valentine* positivi
- Analisi filogenetiche di HIV, HCV e batteri quali *Staphylococcus aureus*

• Date (da – a)

06/03/2017-07/03/2018

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

ASST-FBF-SACCO, via GB Grassi 74, 20157, Milano

• Tipo di azienda o settore

LABORATORIO DI MALATTIE INFETTIVE, UOC MALATTIE INFETTIVE III

• Tipo di impiego

Borsista Biologo

• Principali mansioni e responsabilità

- Gestione di protocolli clinici: raccolta campioni, processamento, stoccaggio e spedizione
- Analisi della variabilità virologica associata alla progressione dell'infezione da HIV e HCV e relativo trattamento
- Valutazione di *biomarker* infiammatori come -TNF α , IL-6 e IL-1 β -in pazienti HIV-positivi

• Date (da – a)

01/12/2016-03/03/2017

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

ASST-FBF-SACCO, via GB Grassi 74, 20157, Milano

• Tipo di azienda o settore

LABORATORIO DI MALATTIE INFETTIVE, UOC MALATTIE INFETTIVE III

• Tipo di impiego

Volontario

• Principali mansioni e responsabilità

Studio della variabilità virologica associata alla progressione dell'infezione da HCV e/o HIV e relativo trattamento

• Date (da – a)

04/05/2015-14/11/2016

• Nome e indirizzo del datore di lavoro

Università degli Studi di Milano, via GB Grassi 74, 20157, Milano

• Tipo di azienda o settore

Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche (DIBIC)

• Tipo di impiego

Tirocinante tesista

• Principali mansioni e responsabilità

Caratterizzazione mediante *Next Generation Sequencing (NGS)* di varianti associate a resistenza del virus dell'epatite C durante terapia con farmaci ad azione antivirale diretta

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

• Date (da – a)

09/01/2024

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Qualifica conseguita Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche, Milano
Dottore di Ricerca in Sanità Pubblica MED/42
tesi dal titolo “Epidemiologia Genomica Delle Principali Varianti di SARS-CoV-2 Circolanti in Italia prima e durante l’era Omicron”
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)
 - Date (da – a) Dottorato di Ricerca
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 01/2019
ICH good clinical practice E6 (R2), Global Health Training Centre, Milano
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 12,19-20/11/2018
Ion Chef™/Ion S5™ System Workflow” *Training*, ThermoFisher Scientific, Milano
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 09/2018
Scuola di alta formazione in virologia clinica Vikt2018 -*Virology Knowledge Tank*, Siena, Italia
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 15/11/2016
Università degli Studi di Milano-Bicocca, Milano
 - Qualifica conseguita Laurea Magistrale in Biologia (LM-6) con voto 110/110L
tesi dal titolo “Caratterizzazione mediante *Next Generation Sequencing (NGS)* di varianti associate a resistenza del virus dell’epatite C durante terapia con farmaci ad azione antivirale diretta”
- Livello nella classificazione nazionale
 - Date (da – a) 25/07/2016-26/07/2016
Laurea Magistrale
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 27/03/2013
Corso interaziendale di formazione parte generale e specifica per lavoratori (Art. 37, D.Lgs 81/08 e CRS 221 del 21/12/2011), AWARE LAB S.R.L., Milano
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
 - Date (da – a) 27/03/2013
Università degli Studi di Milano-Bicocca, Milano
 - Qualifica conseguita Laurea Triennale in Scienze Biologiche (L-13) con voto 104/110
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)
 - Date (da – a) 27/03/2013
Laurea Triennale

**CAPACITÀ E COMPETENZE
PERSONALI**

PRIMA LINGUA Italiano

ALTRE LINGUE

- Capacità di lettura Inglese
buona
- Capacità di scrittura buona
- Capacità di espressione orale buona

**CAPACITÀ E COMPETENZE
RELAZIONALI**

Buona attitudine al lavoro di gruppo e capacità di ascolto, mediazione e comunicazione. Ottima capacità di organizzazione e gestione del lavoro. Affidabilità e serietà in ambiente professionale. Buona capacità di instaurare rapporti

interpersonali.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Biologia Molecolare

- Isolamento di cellule mononucleari da sangue periferico (PBMC) tramite *Ficoll-Paque*
- Estrazione acidi nucleici da differenti materiali biologici (tamponi nasofaringei, plasma, sangue, tessuti autoptici e colture batteriche in petri)
- Amplificazione di materiale genetico tramite PCR, elettroforesi su gel e purificazione
- Sequenziamento genomi tramite Next Generation Sequencing (Illumina, IonTorrentS5)
- Quantificazione di HIV-1, DNA provirale ed RNA mediante Droplet Digital PCR (ddPCR)
- Quantificazione acidi nucleici mediante Real Time PCR

Biologia cellulare

- Saggi immunoenzimatici per la valutazione di *biomarker* infiammatori TNF α , IL-6 e IL-1 β
- Saggi immunoenzimatici per l'identificazione di anticorpi IgM e IgG in campioni biologici di pazienti suscettibili all'infezione da SARS-CoV-2
- Allestimento di colture cellulari
- isolamenti virali *in vitro*
- Test farmacologici *in vitro*

Bioinformatica

- Analisi dei dati di sequenziamento mediante specifici *software* (*Sequencing Analysis, Sequence Navigator, Applied Biosystem, Geneious, Bioedit, Mega*)
- Metodi avanzati di evoluzione molecolare e filogenetici (filodinamica e filogeografia) mediante metodi di *Neighbor-Joining, Maximum Likelihood e Bayesiani*

ULTERIORI INFORMAZIONI

ATTIVITÀ DIDATTICA

1. 2020-2021 (II semestre): Incarico di collaborazione finalizzata al tutorato e ad attività integrative della didattica ai sensi dell'art. 45 Regolamento Generale d'Ateneo; Corso di Studio di Biologia applicata alla ricerca biomedica. Tutorato per: Microbiologia Clinica e Igiene, Dipartimento di Bioscienze. Bando ID 941/G Dr 334/2021 del 26/01/2021.
2. 20-21 giugno 2019: Esercitatore all'elettivo seminariale "Molecular epidemiology and Evolution of Infectious Disease", Università degli Studi di Milano
3. 18-19 giugno 2018: Esercitatore all'elettivo seminariale "Molecular epidemiology and Evolution of Infectious Disease", Università degli Studi di Milano

PARTECIPAZIONE A PROGETTI

1. 2023: Progetto RIPREI ISS "A comprehensive toolbox for timely phenotypic characterization of novel SARS-CoV-2 variants (PHENO-BOX)". Responsabile Dott.ssa A.Lai
2. 2020-2023: Progetto HORIZON-HLTH-2021-CORONA-01-02- Cohorts United against COVID-19 Variants of Concern. EU-Africa Concerted Action on SAR-CoV-2 Virus Variant and Immunological Surveillance. Acronym: CoVICIS. Coordinatore: Prof. A. Riva
3. 2020-2023: Progetto IDEA "Sistema integrato di ateneo per lo studio, il monitoraggio e il controllo delle infezioni, delle emergenze epidemiche e della resistenza ai farmaci antimicrobici". Responsabile Prof. C. Bandi
4. 2020-2023: Membro del Gruppo collaborativo SCIRE: SARS-CoV-2 ITALIAN RESEARCH ENTERPRISE per la sorveglianza molecolare di SARS-CoV-2, composto da 74 Centri Clinici e Laboratori che ricoprono quasi tutto il territorio Nazionale. Centro coordinatore e promotore ASST Fatebenefratelli Sacco
5. 2022: PRIN Ministero Università e Ricerca Scientifica- Progetto "Genomic epidemiology and phylogenesis of SARS-CoV-2 in Italy: identification and characterization of circulating variants of clinical and public health relevance". Coordinatore: Prof. G. Zehender
6. 2022: Finanziamento Fondazione Banca di Italia- Progetto "Epidemiologia genomica e filogenesi di SARS-CoV-2 in Italia"; Coordinatore: Prof. G. Zehender
7. 2021-2022: Progetto in collaborazione con il Prof. M. Buscaglia, Dipartimento di

Biotechnologie mediche e Medicina traslazionale, per lo sviluppo di un test sierologico multi-plexing per SARS-CoV-2

8. 2021-2022: Progetto "COVID in Pet", in collaborazione con la Prof.ssa S. Lauzi, Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali
9. 2020-2022: Progetto di collaborazione con la Prof.ssa C. Cattaneo, Dipartimento di Scienze Biomediche per la Salute per la ricerca di SARS-CoV-2 in materiale autoptico.
10. 2020: Fondo straordinario di Ateneo per lo studio del COVID-19- Progetto "Molecular mapping of SARS-CoV-2 in North Italy"; Ricercatore Principale: Prof. G. Zehender
11. 2018-2023: Membro dell'HIV DNA Network per la standardizzazione a livello nazionale della quantificazione dell'HIV DNA
12. 2017-2023: Membro di HCV Virology Italian Resistance Network study Group: VIRONET-C

PUBBLICAZIONI

1. Colaneri M, Scaglione G, Fassio F, Galli L, Lai A, Bergna A, Gabrieli A, Tarkowski M, Ventura CD, Colombo V, Cordier L, Bernasconi D, Corbellino M, Dedivitiis G, Borghetti S, Visigalli D, Sollima S, Casalini G, Rizzardini G, Gori A, Antinori S, Riva A, Schiavini M. Early administration of nirmatrelvir/ritonavir leads to faster negative SARS-CoV-2 nasal swabs than monoclonal antibodies in COVID 19 patients at high-risk for severe disease. *Virology*. 2024 Mar 20;21(1):68. doi: 10.1186/s12985-024-02333-x. PMID: 38509536; PMCID: PMC10953281.
2. Fetal Myocarditis Associated With Maternal SARS-CoV-2 Infection. Mannarino S, Lanna M, Calcaterra V, Carzaniga T, Casiraghi L, Lai A, Gabrieli A, Bergna A, Fini G, Bianchi S, De Amici M, Zehender G, Bellini T, Buscaglia M, Zuccotti G. *Pediatr Infect Dis J*. 2024 May 1;43:454-456. doi: 10.1097/INF.0000000000004245. Epub 2024 Jan 4. PMID: 38190639.
3. Lai A, Bergna A, Fabiano V, Ventura CD, Fumagalli G, Mari A, Loiodice M, Zuccotti GV, Zehender G. Epidemiology and molecular analyses of respiratory syncytial virus in the 2021-2022 season in northern Italy. *Front Microbiol*. 2024 Jan 4;14:1327239. doi: 10.3389/fmicb.2023.1327239. PMID: 38239726; PMCID: PMC10794773.
4. Bergna A, Lai A, Ventura CD, Bruzzone B, Weisz A, d'Avenia M, Testa S, Torti C, Sagnelli C, Menchise A, Brindicci G, Francisci D, Vicenti I, Clementi N, Callegaro A, Rullo EV, Caucci S, De Pace V, Orsi A, Brusa S, Greco F, Letizia V, Vaccaro E, Franci G, Rizzo F, Sagradi F, Lanfranchi L, Coppola N, Saracino A, Sampaolo M, Ronchiadin S, Galli M, Riva A, Zehender G; SARS-CoV-2 ITALIAN RESEARCH ENTERPRISE - (SCIRE) collaborative Group. Genomic epidemiology of the main SARS-CoV-2 variants in Italy between summer 2020 and winter 2021. *J Med Virol*. 2023 Nov;95(11):e29193. doi: 10.1002/jmv.29193. PMID: 37927140.
5. Varasi I, Lai A, Fiaschi L, Bergna A, Gatti A, Caimi B, Biba C, Della Ventura C, Balotta C, Riva A, Zehender G, Zazzi M, Vicenti I. Neutralizing antibodies response to novel SARS-CoV-2 omicron sublineages in long-term care facility residents after the fourth dose of monovalent BNT162b2 COVID-19 vaccination. *J Infect*. 2023;87:270-272. doi: 10.1016/j.jinf.2023.06.019. Epub 2023. PMID: 37394012.
6. Lai A, Bergna A, Della Ventura C, Zehender G. Genomic epidemiology and phylogenetics applied to the study of SARS-CoV-2 pandemic. *New Microbiol*. 2023;46:1-8. PMID: 36853811.
7. Traversi D, Calabrò GE, Francese C, Franchitti E, Pulliero A, Spatera P, Izzotti A, Ventura CD, Lai A, Bergna A, Galli M, Zehender G, Tamburro M, Lombardi A, Salzo A, DE Dona R, D'Amico A, Viccione V, Ripabelli G, Baccolini V, Migliara G, Pitini E, Marzuillo C, DE Vito C, Pastorino R, Villari P, Boccia S. Genomica in Sanità Pubblica Evidenze scientifiche e prospettive di integrazione nella pratica della prevenzione [Genomics in Public Health Scientific evidence and prospects for integration in the prevention practice]. *J Prev Med Hyg*. 2023;63(3 Suppl 2):E1-E29. Italian. doi: 10.15167/2421-4248/jpmh2022.63.3s2. PMID: 36818497; PMCID: PMC9910509.
8. Lai A, Bergna A, Della Ventura C, Menzo S, Bruzzone B, Sagradi F, Ceccherini-Silberstein F, Weisz A, Clementi N, Brindicci G, Vicenti I, Sasset L, Caucci S, Corvaro B, Ippoliti S, Acciarri C, De Pace V, Lanfranchi L, Bellocchi MC, Giurato G, Ferrarese R, Lagioia A, Francisci D, Colombo ML, Lazzarin S, Ogliastro M, Cappelletti MR, Iannetta M, Rizzo F, Torti C, Fumi M, d'Avenia M, Brusa S, Greco F, Menchise A, Letizia V, Vaccaro E, Santoro CR, Fraccalvieri C, Testa S, Carioti L, Rocco T, Saracino A, Cattelan A, Clementi M, Sarmati L, Riva A, Galli M, Antinori S, Zehender G, Sars-CoV-Italian Research Enterprise-Scire Collaborative Group. Epidemiological and Clinical Features of SARS-CoV-2 Variants Circulating between April-

- December 2021 in Italy. *Viruses*. 2022;14:2508. doi: 10.3390/v14112508. PMID: 36423117; PMCID: PMC9699621.4.
9. Fiaschi L, Dragoni F, Schiaroli E, [Bergna A](#), Rossetti B, Giammarino F, Biba C, Gidari A, Lai A, Nencioni C, Francisci D, Zazzi M, Vicenti I. Efficacy of Licensed Monoclonal Antibodies and Antiviral Agents against the SARS-CoV-2 Omicron Sublineages BA.1 and BA.2. *Viruses*. 2022;14:1374. doi: 10.3390/v14071374. PMID: 35891355; PMCID: PMC9321742.5.
 10. Lai A, Tambuzzi S, [Bergna A](#), Battistini A, Della Ventura C, Galli M, Zoja R, Zehender G, Cattaneo C. Evidence of SARS-CoV-2 Antibodies and RNA on Autopsy Cases in the Pre-Pandemic Period in Milan (Italy). *Front Microbiol*. 2022;13:886317. doi: 10.3389/fmicb.2022.886317. PMID: 35783409; PMCID: PMC9240701.6.
 11. Lai A, [Bergna A](#), Toppo S, Morganti M, Menzo S, Ghisetti V, Bruzzone B, Codeluppi M, Fiore V, Rullo EV, Antonelli G, Sarmati L, Brindicci G, Callegaro A, Sagnelli C, Francisci D, Vicenti I, Miola A, Tonon G, Cirillo D, Menozzi I, Caucci S, Cerutti F, Orsi A, Schiavo R, Babudieri S, Nunnari G, Mastroianni CM, Andreoni M, Monno L, Guarneri D, Coppola N, Crisanti A, Galli M, Zehender G, SCIRE-SARS-CoV-2 Italian Research Enterprise-Collaborative Group. Phylogeography and genomic epidemiology of SARS-CoV-2 in Italy and Europe with newly characterized Italian genomes between February-June 2020. *Sci Rep*. 2022;12:5736. doi: 10.1038/s41598-022-09738-0. PMID: 35388091; PMCID: PMC8986836.
 12. [Bergna A](#), Ventura CD, Marzo R, Ciccozzi M, Galli M, Zehender G, Lai A. Phylogeographical and evolutionary history of variola major virus; a question of timescales? *Infez Med*. 2022;30:109-118. doi: 10.53854/liim-3001-13. PMID: 35350249; PMCID: PMC8929734.
 13. Lai A, [Bergna A](#), Della Ventura C, Tarkowski M, Riva A, Moschese D, Rizzardini G, Antinori S, Zehender G. First Monkeypox Genome Sequence from Italy, First Monkeypox Genome Sequence from Italy-Genome Reports-Virological. 2022. Available online: <https://virological.org/t/first-monkeypox-genome-sequence-from-italy/824/print>.
 14. Lai A, Caimi B, Franzetti M, [Bergna A](#), Velleca R, Gatti A, Rossi PL, D'Orso M, Pregliasco F, Balotta C, Calicchio G. Durability of Humoral Responses after the Second Dose of mRNA BNT162b2 Vaccine in Residents of a Long Term Care Facility. *Vaccines (Basel)*. 2022;10:446. doi: 10.3390/vaccines10030446. PMID: 35335078; PMCID: PMC8954729.
 15. Boccuto A, Dragoni F, [Bergna A](#), Ventura CD, Giammarino F, Saladini F, Pezzati L, Zehender G, Zazzi M, Vicenti I, Lai A. Decreased neutralization of the Eta SARS-CoV-2 variant by sera of previously infected and uninfected vaccinated individuals. *J Infect*. 2022;84:94-118. doi: 10.1016/j.jinf.2021.08.005. Epub 2021. PMID: 34371077; PMCID: PMC8349389.
 16. Tarkowski M, de Jager W, Schiuma M, Covizzi A, Lai A, Gabrieli A, Corbellino M, [Bergna A](#), Ventura CD, Galli M, Riva A, Antinori S. Anti-SARS-CoV-2 Immunoglobulin Isotypes, and Neutralization Activity Against Viral Variants, According to BNT162b2-Vaccination and Infection History. *Front Immunol*. 2021;12:793191. doi: 10.3389/fimmu.2021.793191. PMID: 34975897; PMCID: PMC8718396.
 17. Borgogna C, De Andrea M, Griffante G, Lai A, [Bergna A](#), Galli M, Zehender G, Castello L, Ravanini P, Cattrini C, Mennitto A, Gennari A, Gariglio M. SARS-CoV-2 reinfection in a cancer patient with a defective neutralizing humoral response. *J Med Virol*. 2021;93:6444-6446. doi: 10.1002/jmv.27200. Epub 2021. PMID: 34260066; PMCID: PMC8426853.
 18. Castaldi S, Zani S, Lai A, Zehender G, [Bergna A](#), Boriello CR, Cereda D. COVID-19: an outbreak in a nursing home in spring 2021. *Acta Biomed*. 2021;92:e2021445. doi: 10.23750/abm.v92iS6.12231. PMID: 34739467; PMCID: PMC8851026.
 19. Lai A, [Bergna A](#), Menzo S, Zehender G, Caucci S, Ghisetti V, Rizzo F, Maggi F, Cerutti F, Giurato G, Weisz A, Turchi C, Bruzzone B, Ceccherini Silberstein F, Clementi N, Callegaro A, Sagradi F, Francisci D, Venanzi Rullo E, Vicenti I, Clementi M, Galli M; collaborative group SCIRE SARS-CoV-2 Italian Research Enterprise. Circulating SARS-CoV-2 variants in Italy, October 2020-March 2021. *Virol J*. 2021;18:168. doi: 10.1186/s12985-021-01638-5. PMID: 34391446; PMCID: PMC8364297.
 20. Lai A, Franzetti M, [Bergna A](#), Saladini F, Bruzzone B, Di Giambenedetto S, Di Biagio A, Lo Caputo S, Santoro MM, Maggiolo F, Parisi SG, Rusconi S, Gianotti N, Balotta C. Marked decrease in acquired resistance to antiretrovirals in latest years in Italy. *Clin Microbiol Infect*. 2021;27:1038.e1-1038.e6. doi: 10.1016/j.cmi.2020.09.028. Epub 2020 Sep 23. PMID: 32979570.
 21. Valenti L, [Bergna A](#), Pelusi S, Facciotti F, Lai A, Tarkowski M, Lombardi A, Berzuini A, Caprioli F, Santoro L, Baselli G, Ventura CD, Erba E, Bosari S, Galli M, Zehender G, Prati D; Covid-19 Donors Study (CoDS) network (Appendix 1). SARS-CoV-2 seroprevalence trends in healthy

- blood donors during the COVID-19 outbreak in Milan. *Blood Transfus.* 2021;19:181-189. doi: 10.2450/2021.0324-20. Epub 2021. PMID: 33539289; PMCID: PMC8092034.
22. Sepulcri C, Dentone C, Mikulska M, Bruzzone B, Lai A, Fenoglio D, Bozzano F, Bergna A, Parodi A, Altosole T, Delfino E, Bartalucci G, Orsi A, Di Biagio A, Zehender G, Ballerini F, Bonora S, Sette A, De Palma R, Silvestri G, De Maria A, Bassetti M. The Longest Persistence of Viable SARS-CoV-2 With Recurrence of Viremia and Relapsing Symptomatic COVID-19 in an Immunocompromised Patient-A Case Study. *Open Forum Infect Dis.* 2021;8:ofab217. doi: 10.1093/ofid/ofab217. PMID: 34796242; PMCID: PMC8135455.
 23. Lai A, Giacomet V, Bergna A, Zuccotti GV, Zehender G, Clerici M, Trabattoni D, Fenizia C. Early-Transmitted Variants and Their Evolution in a HIV-1 Positive Couple: NGS and Phylogenetic Analyses. *Viruses.* 2021;13:513. doi: 10.3390/v13030513. PMID: 33808903; PMCID: PMC8003824.
 24. Pagani G, Lai A, Bergna A, Rizzo A, Stranieri A, Giordano A, Paltrinieri S, Lelli D, Decaro N, Rusconi S, Gismondo MR, Antinori S, Lauzi S, Galli M, Zehender G. Human-to-Cat SARS-CoV-2 Transmission: Case Report and Full-Genome Sequencing from an Infected Pet and Its Owner in Northern Italy. *Pathogens.* 2021;10:252. doi: 10.3390/pathogens10020252. PMID: 33672421; PMCID: PMC7926546.
 25. Milazzo L, Lai A, Pezzati L, Oreni L, Bergna A, Conti F, Meroni C, Minisci D, Galli M, Corbellino M, Antinori S, Ridolfo AL. Dynamics of the seroprevalence of SARS-CoV-2 antibodies among healthcare workers at a COVID-19 referral hospital in Milan, Italy. *Occup Environ Med.* 2021:oemed-2020-107060. doi: 10.1136/oemed-2020-107060. Epub ahead of print. PMID: 33542096; PMCID: PMC7868130.
 26. Lai A, Bergna A, Simonetti FR, Franzetti M, Bozzi G, Micheli V, Atzori C, Ridolfo A, Zehender G, Ciccozzi M, Galli M, Balotta C. Contribution of transgender sex workers to the complexity of the HIV-1 epidemic in the metropolitan area of Milan. *Sex Transm Infect.* 2020;96:451-456. doi: 10.1136/sextrans-2019-054103. Epub 2020. PMID: 31900319.
 27. Zehender G, Lai A, Bergna A, Meroni L, Riva A, Balotta C, Tarkowski M, Gabrieli A, Bernacchia D, Rusconi S, Rizzardini G, Antinori S, Galli M. Genomic characterization and phylogenetic analysis of SARS-COV-2 in Italy. *J Med Virol.* 2020;92:1637-1640. doi: 10.1002/jmv.25794. Epub 2020. PMID: 32222993; PMCID: PMC7228393.
 28. Lai A, Bergna A, Caucci S, Clementi N, Vicenti I, Dragoni F, Cattelan AM, Menzo S, Pan A, Callegaro A, Tagliabracci A, Caruso A, Caccuri F, Ronchiadin S, Balotta C, Zazzi M, Vaccher E, Clementi M, Galli M, Zehender G. Molecular Tracing of SARS-CoV-2 in Italy in the First Three Months of the Epidemic. *Viruses.* 2020;12:798. doi: 10.3390/v12080798. PMID: 32722343; PMCID: PMC7472216.
 29. Lai A, Bergna A, Acciarri C, Galli M, Zehender G. Early phylogenetic estimate of the effective reproduction number of SARS-CoV-2. *J Med Virol.* 2020;92:675-679. doi: 10.1002/jmv.25723. Epub 2020. PMID: 32096566; PMCID: PMC7228357.
 30. Lai A, Simonetti FR, Brindicci G, Bergna A, Di Giambenedetto S, Sterrantino G, Mussini C, Menzo S, Bagnarelli P, Zazzi M, Angarano G, Galli M, Monno L, Balotta C. Local Epidemics Gone Viral: Evolution and Diffusion of the Italian HIV-1 Recombinant Form CRF60_BC. *Front Microbiol.* 2019;10:769. doi: 10.3389/fmicb.2019.00769. PMID: 31031735; PMCID: PMC6474184.
 31. Zehender G, Lai A, Veo C, Bergna A, Ciccozzi M, Galli M. Bayesian reconstruction of the evolutionary history and cross-species transition of variola virus and orthopoxviruses. *J Med Virol.* 2018;90:1134-1141. doi: 10.1002/jmv.25055. Epub 2018. PMID: 29446492.
 32. Lai A; Milazzo L; Bergna A; Polano M; Binda F; Franzetti M; Micheli V; Ronzi P; Zehender G; Sollima S, Galli M, Balotta C. Evolution of Resistance-Associated Variants of All-Oral Direct-Acting Antiviral Therapy of Hepatitis C in a Clinical Setting. *J Antivir Antiretrovir* 2017; 09. 10.4172/1948-5964.1000169.

ATTI DI CONVEGNI

1. ReAdfiles Congress Report, SETTEMBRE 2023; 21th European meeting on HIV & Hepatitis, Roma 07-09 giugno 2023.
2. ReAdfiles Congress Report, N.3 SETTEMBRE 2022; 20th European meeting on HIV & Hepatitis, Parigi 08-10 giugno 2022.

PREMI/RICONOSCIMENTI

- 2020 Onorificenza di Cavaliere dell'Ordine al Merito della Repubblica italiana per servizio alla comunità durante l'emergenza del coronavirus
- 2018 Premio "Luigi Sacco Awards 2018" per il miglior contributo scientifico del Convegno Internazionale "Giornate Infettivologiche Luigi Sacco 2018"

ALLEGATI

Il sottoscritto è a conoscenza che, ai sensi dell'art. 76 del DPR 445/2000, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali. Inoltre, il sottoscritto autorizza al trattamento dei dati personali ai sensi dell'art. 13 GDPR 679/16 – "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

CITTA' Milano

DATA 20/04/2024

NOME E COGNOME (FIRMA)

